

10/519328

Figure 1

QRDPVGRYEP AGGDANRLRR PGGSYPAAAA AKVYSLFREO DAPVAGLOPV ERAQPGWGSP 60

EPTEAEARR PSRAQQSRR 79

Figure 2

10/519328

```

LTBL_HUMAN      -----MAGAWLRN-----GLLWAGHLASSAHG-----RLRRIYVVHHPGPG
LTBS_HUMAN      -----MDTKLM-----GLLEFESLPDLVSN-----HTGRIKVVFTPS--
Q9NS15          -----MPGDRGAGGGLADIMRGAGAGL-----LALLLLHLLHLLG-----LGGRYEGGPAGERG
Q14767          -----MRRTTKATSPGRALRNPNRGELPLLLALEVGAGHAQRPVGRYEPAGGDANRLRRPGGS
O75412          -----MGRPAPAVPRPARP-----

LTBL_HUMAN      LAAGALPLSGPPASSRTFNVALNARYSRSSAAAGAPSR---ASPGVPSERTTRTSKPGGA
LTBS_HUMAN      -----ICKVTCTKGSCONSCEKG---NTTTLISE-----
Q9NS15          -----AGGGGALARERFKVVFAPVICKRTCLKGQCRDSCQOG---SNMTLIGE-----
Q14767          YPAAAAAKVYSLFREQDAPVAGLQPVRAQPGWGSPPRRPTEAEARRPSRAQQSRRVQPPA
O75412          -----ATPPAWTAALPAGRPRG-----

LTBL_HUMAN      ALQGLRPPPPPPPEPARPAVPGQLHPNPGGHPAAAPFTKQGRQVVRSKVPQETQSGGGS
LTBS_HUMAN      -----NGHAADTLTATNFRVVI-----
Q9NS15          -----NGHSTDTLTGSGFRVVV-----
Q14767          QTRRSTPLGQQQPAPRTTRAAPALPRLGTPQRSGAAPPTPFRGLTGRN-----
O75412          -----DPGFRAFL-----
                        *

LTBL_HUMAN      RLQVHQKQQLQGVNVCGGRCCGWSKAPGSQRCTKPSCVPPCQNGGMCLRPQLCVCKPGT
LTBS_HUMAN      -----CHLPCMNGGQCSSRDCKQCPCPNF-----
Q9NS15          -----CPLPCMNGGQCSSRNQCLCPCPDF-----
Q14767          -----VCGGQCPCGWTTANSTNHCIKPVCEPPCQNRGSCSRPQLCVCRSGF-----
O75412          -----CPLICHNGGVCVKPDRLCPCPDF-----
                        * * * * *

LTBL_HUMAN      KGKACETIAAQD-----TSSPVFGGQSPGAASSWG-----PPEQAA
LTBS_HUMAN      TGKLCQ-IPVHG-----ASVPKLYQHSQQPGKALG-----THVIHS
Q9NS15          TGRFCQVPAGGAGGCT-----GGSGPGLSRTGALSTGALP-----PLAPEG
Q14767          RGARCEEVLPDEEFDPPQNSRLAPRRWAERSPNLRRSSAAGEGTLARAQPPAPQSPAPQS
O75412          AGKFCQLHSSGAR-----PPAPAIPLTR-SVYTMP-----LANHR
                        * * * * *

LTBL_HUMAN      KHTSSKKADTLPRVSPVAQ-MTLTLKPKPSVGLPQQIHSQVTPDSSQSVVIHHGQTQEYV
LTBS_HUMAN      THT-----LPLTVTSQ-----
Q9NS15          DSVASKHAIYAVQVIADP-----PGPGEGPPAQHAFLVPLGPGQ-----
Q14767          PPAGTSLGLSQTHPSQQHVGLSRTVRLHPTATASSQLSSNALPPGPGLEQRDGTQQAVPL
O75412          DDE-----

LTBL_HUMAN      LKPKYFPAQKGISGEQSTEGSFPLRYVDQVAA-----
LTBS_HUMAN      -----
Q9NS15          -----
Q14767          EHPSSPWGLNLTEKIKKIKIVFTPTICKQTCARGHCANSCERDTTTLYSQGGHGHDPKS
O75412          -----

LTBL_HUMAN      -----
LTBS_HUMAN      -----
Q9NS15          -----
Q14767          GFRIYFCQIPCLNGGRCIGRDECWCPANSTGKFCHLPQPDPREPPGRGSRPRALLEAPL
O75412          -----

LTBL_HUMAN      -----PFQLQGVKVKFPPNIVNIHVHHPPEASVQIHQVSRIDG---PTGQKTKEAQPGQ
LTBS_HUMAN      -----QGKVKVKFPPNIVNIHVHHPPEASVQIHQVSRIDG---PTGQKTKEAQPGQ
Q9NS15          -----ISAEVQAPPVVNVVRVHHPPEASVQVHRIESSNA---ESAAPSQHLLP-H
Q14767          KQSTFTLPLSNQLASVNPVLVKVHIHHPPEASVQIHQVAQVRGGVEEALVENSVETRPPP
O75412          -----HGVASMVSVHVEHPQEASVVVHQVERVSG---PWEEADAEAVARA
                        . : * : : . * * * * : * :

LTBL_HUMAN      SQVSYQGLPVQKTQTIHSTYSHQQVI PHVYPVAAKTQLGRCFQETIGSQ-CJ-KALPGLS
LTBS_HUMAN      SQVSYQGLPVQKTQTIHSTYSHQQVI PHVYPVAAKTQLGRCFQETIGSQ-CG-KALPGLS
Q9NS15          PKPSHPRPPTQKP-----LGRCFQDTLPKQPCGNSNPLPGLT
Q14767          WLPASPGHSLWDSNNIPARSGEPRLPPAAPRPRGLLGRCYLNTVNGQCAN--PLLELT
O75412          EAAARAEAAAPYTVLAQSAPRED-----GYSDASGFGYCFRELRGECAS--PLPGLR
                        : * * : : : * *

LTBL_HUMAN      KQEDCCGTVGTSGWGFNKCQKCP-----KKPSYHGYNQMMELPGYKRVNNTFCQDINE
LTBS_HUMAN      KQEDCCGTVGTSGWGFNKCQKCP-----KKPSYHGYNQMMELPGYKRVNNTFCQDINE
Q9NS15          KQEDCCGSIQTAWGQSKCHKCPQLQYTGTVQKPGPVRGVEVGADCPQGYKRLNSTHQCQDINE
Q14767          TQEDCCGSGAFWGVTLCAPCPP-----RPASPVIEGQLECPQGYKRLNLTHQCQDINE
O75412          TQEVCCRGAGLAWGVHDCQLCSE-----LGNSERSVAPDGPCTGFERVN--GSCEVDDE
                        . * * * * *

```

WO 2004/005332

LTBL_HUMAN CQLQGVCPNGECLNTMGSYRCTCKIGFGPDPTFSSCVPDPPVISEEKGPCYRLVSSGRQC
LTBS_HUMAN CQLQGVCPNGECLNTMGSYRCTCKIGFGPDPTFSSCVPDPPVISEEKGPCYRLVSSGRQC
Q9NS15 CAMPGVCRHGDCLNNPGSYRCVCPGHSGLGSRTOCIADKP--EESLCLFRLVSPHQ
Q14767 CLTLGLCKDAECVNRGSYLCTCRPGLMLDPSRSRCVSDKAIS-MLQGLCYRSLGPG-TC
O75412 CATGGRQCQHGECANTRGGYTCVCPDGFLLDSSRSSCISQHVIS-EAKGPCFRVLRDG-GC
* * * * * : * : * : * : * : *

LTBL_HUMAN MYPLSVHLTKQLCCCS-VGKAG-PHCEKCPLPGTAAFKCICPGMGYTVSGVHRRRPIH-
LTBS_HUMAN MYPLSVHLTKQLCCCS-VGKAG-PHCEKCPLPGTAAFKCICPGMGYTVSGVHRRRPIH-
Q9NS15 QHPLTTRLTRQLCCCS-VGKAWGARCQRCPTDGTAAFKCICPAGKGYHILTSHTLTIQ-
Q14767 TLPLAQRTKQICCCSRVGKAWGSECEKCPLPGTEAFREICPAGAGYTYASSDIRLSMR-
O75412 SLPILRNITKQICCCSRVGKAWGRGCQLCPPFGSEGFREICPAGPGYHYSASDLRYNTRP
* : * : * : * : * : * : * : * : *

LTBL_HUMAN -HHVGKGPVFPKPKNTQPVAKSTHPPPLPAKEEPVEALTFSREHGARSAPPEVATAPPEK
LTBS_HUMAN -HHVGKGPVFPKPKNTQPVAKSTHPPPLPAKEEPVEALTFSREHGARSAPPEVATAPPEK
Q9NS15 -GESDFS-LFLHPDGP--KQQLPESPSQAPPPE-----DTEBERGVTTDSPVS
Q14767 -KAESEE--LARPPREGQQRSGALPG-PAERQPLR-----VVTDTWLEAGTIPDK
O75412 LGQEPFRVLSQPRTLPATSRPSAGFLPTHRLEPRP-----EPRDPRPGPEFPLP
: * : *

LTBL_HUMAN EIPSLDQEKTKLEPGQPQLSPGISAIHLHPQFPVVIKTSPPVPVEVAPEASTSSASQVI
LTBS_HUMAN EIPSLDQEKTKLEPGQPQLSPGISAIHLHPQFPVVIKTSPPVPVEVAPEASTSSASQVI
Q9NS15 EERSVQSQSHPTATTPARP-----YPELISRPSPTMRWFLPDLPPSRSAVEI
Q14767 GDSQAGQVTTSTHAPAVTG-----NATTPMPEQGIATQEEQVTPSTDVL
O75412 SIPAWTGPPIESGPPSSGMCQ-----RNPQVCGPGRICISRPSGYTCACDSGFRLLSP
:

LTBL_HUMAN APTQVTEINECTVNP-DICGAGHCINLPVRYTCICYEGYRFSEQQRKCVDIDECTQVQHL
LTBS_HUMAN APTQVTEINECTVNP-DICGAGHCINLPVRYTCICYEGYRFSEQQRKCVDIDECTQVQHL
Q9NS15 APTQVTEIDECLRNQ-NICGHGECVPGPPDYSCHCNPGYRSHQPHRYCVDVNECEAEPCG
Q14767 VTLSTPGIDRCAAGATNVCGPCTCVNLDPGYRCVCSPGYQLHPSQAYCTDDNECLRDPCQ
O75412 QGTRCIDVDECRVP-PPCAGPRCENSPPGFCVCGPGFRAGPRAECLDVDECHRVPP
: * : * * * * : * * * : *

LTBL_HUMAN CSQGRCENTEGSFLCICPAGFMASE--EGTNCIDVDECLR-PDVCGEH-HCVNTVGAFCR
LTBS_HUMAN CSQGRCENTEGSFLCICPAGFMASE--EGTNCIDVDECLR-PDVCGEH-HCVNTVGAFCR
Q9NS15 PGRGICMNTGGSYNCHCNRGYRLHVGAGGRSCVDLNECAK-PHLCGDGGFCINFPGHYKC
Q14767 -GKGRGINRVGSYSCFCYPGYTLATSGATQECQDINECEQ-PGVCSGG-QCTNTEGSHYH
O75412 CDLGRCENTPGSFLCVCPCAGYQAAP--HGASCQDVDECTQSPGLCGRG-ACKNLPGSFRC
* * * * * : * * * : * * * : * * * : *

LTBL_HUMAN EYCDSGYRMTQGR--CEDIDECL-NPSTCPDEQCVNSPGSYQCVCTEGFRG-WNG-QC
LTBS_HUMAN EYCDSGYRMTQGR--CEDIDECL-NPSTCPDEQCVNSPGSYQCVCTEGFRG-WNG-QC
Q9NS15 N-CYPGYRLKASRPVCEDEIDECR-DPSSCPDGKCNKPGSFCKIACQPGYRS-QGGGAC
Q14767 E-CDQGYIMVRKGH--CQDINECR-HPGTCPDGRVCNPSGYSYTLACEGYRG-QSG-SC
O75412 V-CPAGFRGSACEE---DVDECAQEPFPCGPGRCNDTAGSFHC-ACPAGFRSRGPGAPC
* * : * : * * : * * * : * * * : *

LTBL_HUMAN LDVDECLR-PNVCAAGDCSNLEGSYMCSCHKGYTRTPDHKHCRDIDECQQGNLCVNGQCK
LTBS_HUMAN LDVDECLR-PNVCAAGDCSNLEGSYMCSCHKGYTRTPDHKHCRDIDECQQGNLCVNGQCK
Q9NS15 RDVNECAE-GSPCSPGWCENLPGSFRCCTCAQGYAPADGRSCLDVDECEAGDVNIGCS
Q14767 VDVNECLT-PGVCAGHKCTNLEGSFRCSCQGYEVTSDKGCQDVDECASTRASCTGLCL
O75412 QDVDECARSPPCYTYGRCENTEGSFQCVCPMGFPQNAAGSECEDEVDECENHLACPGQECV
* : * * * : * * * : * * * : * * * : *

LTBL_HUMAN NTEGSFRC-TCGQGYQLSAAKQDCEDIDECQH--RHLCAHGQCRNTEGSFQCV-CDQGYR
LTBS_HUMAN NTEGSFRC-TCGQGYQLSAAKQDCEDIDECQH--RHLCAHGQCRNTEGSFQCV-CDQGYR
Q9NS15 NTPGSFQC-QCLSGYHLRDRSHCEDIDECDF--PAACIG-----
Q14767 NTEGSFACSACENGYWVNEGTACEDLDECAF--PGVCPSGVCTNTAGSFSCDKDGGYR
O75412 NSPGSFQCRACPSGHHLRGR--CTDVDECSSGAPPFCGPHGCTNTEGSFRCSCAPGYRA
* : * * * : * * * : * * * : *

LTBL_HUMAN ASGLGDHCEINEDKESVCQRGDCINTAGSYDCTCPDGFQLD-DNKTCQDINECEH-P
LTBS_HUMAN ASGLGDHCEINEDKESVCQRGDCINTAGSYDCTCPDGFQLD-DNKTCQDINECEH-P
Q9NS15 -----GDCINTNGSYRCLCPQGHRLV-GGRKQDIDECSDQD
Q14767 PSPLGDSCEVDVEDPQSSCLGGECKNTVGSYQCLCPQGFQLA-NGTVCEDVNECMG-E
O75412 PSGRPGPCADVNECLEGDFCFPHGECLNTDGSFACTCAPGYRPGPRGASCLDVDECESE-E
* : * * * : * * * : * * * : *

LTBL_HUMAN GLCGPQGECLN-----TEGSFH
LTBS_HUMAN GLCGPQGECLN-----TEGSFH
Q9NS15 SLCLPHGACKN-----LQGSYV
Q14767 EHCAPHGECLNSHGSFFCLCAPGFVSAEGGTSCQDVDECATTDPCVGG--HCVNTEGSFN
O75412 DLQCS-GICTNTDGSFECICPPGHRAGPDLASCLDVDECRERGPALCGSQRCENSPGSYR
* * * * *

LTBL_HUMAN CV--CQGGFSISADG-----R
LTBS_HUMAN CV--CQGGFSISADG-----R
Q9NS15 CV--CDEGFTPTQDQ-----H
Q14767 CL--CETGFQSPSPESGECVDIDECEDYDGPVCGTWKCENSPGSYRVLGCQPGFHMAMPNG

10/519328

PCT/EP2003/007069

WO 2004/005332

O75412 CVRDCDPGYHAGPEG-TCDDVDECQYEGPEICGAQRCENTPGSYRCTPACDPGYQPTPGG
* : * : * : *

LTBL_HUMAN TCEDIDECVNNTVCDSHGFCDNTAGSFRCLCYQGQFQAPQDGGQCVDVNECELLSGVCGEA
LTBS_HUMAN TCEDIDECVNNTVCDSHGFCDNTAGSFRCLCYQGQFQAPQDGGQCVDVNECELLSGVCGEA
Q9NS15 GCEEVEQPHH-----
Q14767 DCIDIDECANDTMCGSHGFCDNTDGSFRCLCDQGFESPSGWDVNECELMMLAVCGAA
O75412 GCQDVDECNRNRSFCGAHAVCQNLPGSFQCLCDQGYEGARDGRHCVDVNECE" LQGVCGAA
* : : : : *

LTBL_HUMAN FCENVEGSFLCVCADENQEYS PMTGQCRSR-----T
LTBS_HUMAN FCENVEGSFLCVCADENQEYS PMTGQCRSR-----T
Q9NS15 -----
Q14767 LCENVEGSFLCLCASDLEEYDAQEGHCRPRGAGG-----QS
O75412 LCENVEGSFLCVCNPSPEEFDPMTGRCVPPRTSAGMFPQSQPAPASVLPARPPPPPLP

LTBL_HUMAN STDLDVDVDQPKKEKKECYNNLNDASLCDNVLAPNVTQKECCCTSGAGWGDNCEIFPCPV
LTBS_HUMAN STDLDVDVDQPKKEKKECYNNLNDASLCDNVLAPNVTQKECCCTSGAGWGDNCEIFPCPV
Q9NS15 -----KKECYLNFDDTVFCDVSLATNVTQKECCCSLQAGWGDHCEIYPCPV
Q14767 MSEAPTGDHAPAPTRMDCYSQKGHAPCSSVLGRNTTQAECCCTQGATWGDADCLPS--
O75412 RRPSTPRQGPVGSRRRECYFDTAAPDACDNI LARNVTWQECCTVGEWGSGRIRQQCPG
: : * : * : * : * : * : * : *

LTBL_HUMAN LGTAEFTEMCPKKGKGFVPAGESSEAGGENYKDADECLLFGQEIKNFGCLNTRPGYECY
LTBS_HUMAN LGTAEFTEMCPKKGKGFVPAGESSEAGGENYKDADECLLFGQEIKNFGCLNTRPGYECY
Q9NS15 YSSAEFHS LCPDGKGYTQDNINVN- YGIPAHARDIDE CMLFGSEICKEGKCVNTQPGYECY
Q14767 EDSAEPSEICPSGKGYI PVEGAWT- FGQTMYTDADEC VIFGPGLCPNRCNLNTPGYVCL
O75412 TETA EYQSLCPHGRGYLAPSGDLS-----LRRDVDECQLFRDQVCKSGVCVNTAPGYSCY
: * : : * : * : * : * : * : * : *

LTBL_HUMAN CKQGTYYDPVKLQCFDMDECQDP-SSCIDGQCVNTEGSYNCFCTHPMVLDASEKRCIRPA
LTBS_HUMAN CKQGTYYDPVKLQCFDMDECQDP-SSCIDGQCVNTEGSYNCFCTHPMVLDASEKRCIRPA
Q9NS15 CKQGFYDGNLLECDVDDECLDE-SNCRNGVCENTRGGYRCACTPPAEYSPAQRQCLSP
Q14767 CNPFGPHYDASHKKCEDHDECQD--LACENGECVNTEGSFHCFCSPPLTDLDSQRCMNST
O75412 CSNGYYHYHTQRLCEDNDECADEEPAEGGRCVNTVGSYHCTCEPPLVLDGSQRCVSN
* : * : * : * : * : * : * : * : *

LTBL_HUMAN ESNEQIEETDVYQDLCEWHLSD EYVCSRPLVGKQTTYTECCCLYGEAWGMQCALCPLKDS
LTBS_HUMAN ESNEQIEETDVYQDLCEWHLSD EYVCSRPLVGKQTTYTECCCLYGEAWGMQCALCPLKDS
Q9NS15 E----MERAPERRDVCWSQRGEDGMCAGPLAGPALTFDDCCCRQGRGWAQCRPCPPRGA
Q14767 STEDLPDHDHMDICWKKTND-VCSEPLRGHRTTYTECCQDQKAWSQQCALCPRSS
O75412 S-----QSLDDNLGVWCQEVGADLVCSHPRLDRQATYTECCCLYGEAWGMDCALCPAQDS
: : * : * : * : * : * : * : *

LTBL_HUMAN DDYAQLCNIPVTGRR-----
LTBS_HUMAN DDYAQLCNIPVTGRR-----
Q9NS15 G---SHCPTSQSESN-----
Q14767 EVYAQLCNVARIEAEREAGVHFR-----PGYEGPGPDDLHYSIYGP
O75412 DDFEALCNVLRPPAYSPPRPGGFGLPYEGPDLGPPYQGLPYGPPELYPPPAPYPYPYPP
*

LTBL_HUMAN -----QPYGRDALVDF-----SEQYTPE
LTBS_HUMAN -----QPYGRDALVDF-----SEQYTPE
Q9NS15 -----SFWDTSPLLLG-----KPPRDED
Q14767 DGAPFYNYLGPEDTVPEPAFPNTAGHSADRTPILESP-----LQPSLEQ
O75412 PGPFARREAPYCAPRFDMPDFEDDGGPYGESEAPAPPGPGRWPYRSRDRTRRSFPEPEEP

LTBL_HUMAN ADPYFIQDRFLNSFEELQAEBCGILNGCENGRCVRVQEGYTCDCLDGYHLD TAKMTCFDV
LTBS_HUMAN ADPYFIQDRFLNSFEELQAEBCGILNGCENGRCVRVQEGYTCDCLDGYHLD TAKMTCFDV
Q9NS15 SS-----EEDSDEC---RCVSGRCVPRPGGAVCECPGGFQLDASRARCVDI
Q14767 PHYVASHPEPPAGFEGQLQAEBCGILNGCENGRCVRVREGYTCDCFEFGQLDAAHMACVDV
O75412 PEGGSYAGSLAEPYEELEAEBCGILDGCTNGRCVRVPEGFTCRCFDGYRLDMTRMACVDI
: : * : * : * : * : * : * : *

LTBL_HUMAN NECDELNNRMSLCKNAKCINTDGSYKCLCLPGYVPSDKPNYCTPLNTALNLEKDSLE
LTBS_HUMAN NECDELNNRMSLCKNAKCINTDGSYKCLCLPGYVPSDKPNYCTPLNTALNLEKDSLE
Q9NS15 DECRELNQRGLLCKSERCVNTSGSFRVCCKAGFARSRPHGACVPQRRR-----
Q14767 NECDDLNGPAVLVCHGYCENTEGSYRCHCSPGYVAEAGPPHCTAKE-----
O75412 NECDEAEAASPLCVNARCLNTDGSFRICIRPGFAPTHQPHHCAPARPA-----
: * : : * : * : * : * : * : *

[illegible]